Figure 1B

FOLDS

	cele	scer	mjan	phor	mthe	aful	aaeo	mtub	bsub	mpne	mgen	hpyl	rpro	ecol	hinf	bbur	tpal	syne	ctra	cpne	
P-loop cont. NTP hydrolase	5	8	21	18	17	14	20	7	9	24	33	16	23	9	17	26	21	10	20	18	3.29
Ferredoxin-like	4	7	29	6	35	24	11	6	·	·	·	7	5	10	10	2	5	6	·	·	4.34
beta/alpha (TIM)-barrel	·	5	13	9	14	12	10	10	12	6	7	7	5	12	11	8	7	8	10	9	3.1
Rossmann-fold	·	4	5	6	8	8	12	16	14	4	4	7	5	10	8	·	·	9	5	5	3.22
SAM-dep. met. transferases	·	·	12	10	5	7	8	7	4	4	·	10	5	4	6	4	·	5	5	4	3.53
Flavodoxin-like	·	·	·	4	8	8	·	·	8	·	·	5	·	8	6	3	·	11	·	·	3.14
alpha-alpha superhelix	5	7	7	·	·		9		·				·	·	·	·	5	6	·	·	1.91
FAD/NAD(P)-bndng domain	·	·	·	5	4	9	9	5	4	6	7	·	5	5	·	·	·	·	·	·	3.4
Adenine alpha hydrolase	·	·	7	6	5	·	5	·	·	6	9	5	6	·	·	4	3	·	4	4	3.17
PLP-dependent transferases	·	·	5	5	5	·	7	·	6	·	·	3	·	4	5	·	·	3	4	5	3.54
Protein kinases (PK)	10	8	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·				·	·	·	5.1
Immunoglobulin-like	17	·	·		·	·	·	·	·			·		·	·	·	·	·	·		2.1
Ribonuclease H-like motif	·	5	·	·	·	·	·	·	·	4	5	·	7	6	8	5	6	·	·	·	3.47
Cl. II aaRS and biotin syn.	·	·	·	·	·	·	·	·	·	8	10	4	5	·	·	4	6	·	6	6	4.61
Acyl-CoA binding protein	·	7	·	·	·	·	·	·	·	11	13	3	·	·	·	·	3	·	·	·	1.105
alpha/beta-Hydrolases	·	·	·	·	·	·	·	9	5	·	4	·	5	·	·	·	·	4	·	·	3.56
Zincin-like	12	·	·					·	·	·	·		·	·	·	·		·			7.3
7-bladed beta-propeller	·	8						·					·		·			·	·	·	2.51
OB-fold	·	·	·	·	·	·	·	·	·	6	8		·	·	·	·	3	·	4	4	2.29
beta-Grasp	7	·																			4.105
Glucocorticoid rcptr DNA-bnd	6	·		·						·				·							7.33

SUPERFAMILIES

	cele	scer	mjan	phor	mthe	aful	aaeo	mtub	bsub	mpne	mgen	hpyl	rpro	ecol	hinf	bbur	tpal	syne	ctra	cpne			
3.29.1	5	8	21	18	17	14	20	7	9	24	33	16	23	9	17	26	21	10	20	18	d1gky__	P-loop containing NTP hydrolases
4.34.1	·	·	25	4	31	20	6	·	·			3	·	8	6		·	·			d1fxd__	4Fe-4S ferredoxins
3.22.1	·	4	5	6	8	8	12	16	14	4	4	7	5	10	8	2	2	9	5	5	d1xel__	NAD(P)-binding Rossmann-fold
3.53.1	·	·	12	10	5	7	8	7	4	4	·	10	5	4	6	4	2	5	5	4	d1vid__	SAM-dependent methyltransferases
3.4.1	·	·	·	5	4	9	9	5	4	6	7	·	5	5	·	·	3	3	3	·	d1grh__	FAD/NAD(P)-binding domain
3.54.1	·	·	5	5	5	5	7	·	6	·	·	3	·	4	5	·	·	3	4	5	d1map__	PLP-dependent transferases
5.1.1	10	8	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·				·	·	·	d1hcl__	Protein kinases (PK), catalytic core
4.61.1	·	·	·	·	·	·	5	·	·	8	10	4	5	·	5	4	6	·	6	6	ds051__	Class II aaRS and biotin synthetases
3.1.5	·	·	5	3	7	·	·	·	4	·	·	·	·	·	·	2	2	·	·	·	d1ads__	NAD(P)-linked oxidoreductase
3.56.1	4	·	·	·	·	·	·	9	5	3	4	·	5	·	·	·	·	4	3	·	d1ax9__	alpha/beta-Hydrolases
1.105.4	·	6	·	·	·	·	·		·	11	12	3		·	·	·	·	·	·	3	d2tmaa_	Tropomyosin
3.47.1	·	4			·	·	·	·	·	3	4	·	4	3	5	4	5	·	·	·	d1ap8__	Translation initiation factor eIF4e
3.17.2	·	·	6	4	4	·	·	·	·	·	4	·	·	·	·	·	·	·	·	·	ds035__	adenine nucleotide alpha hydrolases
2.51.3	·	8						·					·		·			·	·	·	ds029__	Trp-Asp repeat (WD-repeat)
4.89.1	·	·	4	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	·	d1gsa_2	Glutathione synthetase ATP-binding
7.3.9	11								·	·						·					d1apo__	EGF/Laminin
3.82.1	·	·	·	4	·	·	·	·	·	·	·	·	·	4	5	4	3	4	4	4	d1rkm__	Periplasmic binding protein-like II
2.1.1	9	·	·		·	·		·								·		·	·		d1cd8__	Immunoglobulin
1.91.8	·	·	7		·		9									·		5			d1a17__	Tetratricopeptide repeat
2.29.4	·	·	·	·	·	·	·	·	·	5	6	2	4	·	·	·	3	·	4	3	ds025__	Nucleic acid-binding proteins
5.19.1	·	·			·	7	·	6	5			·	·	·	·	·	·	·	·	·	d1lci__	Firefly luciferase-like
3.14.2		·		·	4	·	·	·	5			3	·	5	·	3	·	9	·	·	d2che__	CheY-like
3.83.1	·	·	·	·	·	8	·	6	4			·	·	·	·	·			·	·	d1afwa1	Thiolase
4.34.7	·	5										·					·	·	·	·	d1fht__	RNA-binding domain
1.91.3	4	·											·	·		·	5	·			d1awcb_	Ankyrin repeat
4.105.1	7	·																			d1lit__	C-type lectin-like
7.33.1	6	·		·						·				·							d1gdc__	Glucocorticoid receptor DNA-binding