	Task	Year 1				Year 2				Year 3				Year 4				Year 5			
		Q1	Q2	Q3	Q4	Q1	Q2	Q3	Q4	Q1	Q2	Q3	Q4	Q1	Q2	Q3	Q4	Q1	Q2	Q3	Q4
Aim 1	Develop ensemble of genomic and transcriptomic TE callers	■	■	■																	
	Ensemble calling		■	■	■	■	■														
	Quantification of TE transcriptomic activity		■	■	■		■	■	■	■	■	■	■	■	■	■	■	■	■	■	■
Aim 2	Identification of TEs using novel computational platform				■	■	■	■													
	Experimental validation of putative TEs			■	■	■	■	■	■	■											
Aim 3	*In silico* functional studies of the putative TE candidates								■	■	■	■	■	■	■	■	■	■	■	■	■
	Experimental studies of putative TE candidates											■	■	■	■	■	■	■	■	■	■
	Functional studies of important TEs													■	■	■	■	■	■	■	■